研究成果報告書

(国立情報学研究所の民間助成研究成果概要データベース・登録原稿)

研究テーマ (和文) AB		レトロトランスポゾンを利用した哺乳類の胎生機構獲得									
研究テーマ (欧文) AZ		Mammalian viviparity and retrotransposon									
研究代表名	ከタカナ cc	姓)オノ	名) リュウイチ	研究期間 в	2011	~ 2012	年				
	漢字 CB	小野	竜一	報告年度 YR	2013	年					
	□-マ 字 cz	0no	Ryuichi	研究機関名	東京医科雄						
研究代表者 cp 所属機関・職名		東京医科歯科大学 難治疾患研究所 エピジェネティクス分野 助教									

概要 EA (600字~800字程度にまとめてください。)

申請者は、Sirh family 遺伝子群がレトロトランスポゾン由来の遺伝子群であり、爬虫類、鳥類、単孔類などの胎盤を持たない動物種には存在せずに、未熟な胎盤を持つ有袋類、真獣類のみに存在することを明らかにしている。このことから、哺乳類特異的な Sirh family 遺伝子群は、哺乳類特異的機能を獲得した結果、現在でも哺乳類で高度に保存されていると考えられる。そこで、これらの遺伝子群の体系的な解析から、哺乳類特異的機能の解明、哺乳類の進化の解明ができると考え解析を行った。

【Sirh family 遺伝子群の胎盤での機能解析】 今回、新たに作製した Sirh7 KO マウスの解析を行った。 Sirh7 は妊娠初期の胎盤から高い発現を示し、中期になると labyrinth trophoblast の一部の活発に細胞増殖している細胞でのみ発現し、妊娠後期には発現が消失する。さらに、胎盤の幹細胞である TS 細胞を分化させると Sirh7 の発現が速やかに誘導され、分化後 6 日目で細胞増殖が止まると同時に Sirh7 の発現は無くなる。これらのことから、Sirh7 は、妊娠中期の胎盤の細胞増殖を制御している重要な遺伝子ではないかと考え、Sirh7 KO マウスの解析を行った。その結果、Sirh7 は、中期胎盤において細胞分化異常の表現型を持つことが明らかになった。マウスの成熟胎盤は、trophoblast giant cells, spongiotrophoblast, labyrinth layer から成る。Spongiotrophoblast は、spongiotrophoblast cells および glycogen cells から成立している。Sirh7 KO マウス胎盤においては、glycogen cells は正常だが、spongiotrophoblast cells への分化が非常に減少していた。このことにより、Sirh7 KO マウスにおいては、正常な胎盤構造を構築できないことが明らかになった。本研究において、Sirh1/Peg10、Sirh2/Peg11 の他に、マウス X 染色体に位置する Sirh7 が正常な胎盤の発生に必須な機能を持つ事を明らかにすることができ、『哺乳類がレトロトランスポゾンを利用することで胎生機構を獲得した』という新たな哺乳類進化説を強く示唆できた。

キーワード FA	レトロト	ランスァ	ポゾン	胎盘	克							
(以下は記入しない	へでくだ。	さい。))									
助成財団コード TA						研究課題番	号 AA					
研究機関番号 AC						シート番号						

発表文献 (この研究を発表した雑誌・図書について記入してください。)													
雑誌	論文標題GB	Identification of a Novel PNMA-MS1 Gene in Marsupials Suggests the LTR retrotransposon-derived PNMA Genes Evolved Differently in Marsupials and Eutherians.											
	著者名 GA	Iwasaki S. et.,al.	雑誌名 GC	DNA Research									
	ページ GF	~	発行年 GE	2	0	1	3	巻号 GD	Epub ahead of print				
雑誌	論文標題GB	Identification of tammar wallaby <i>SIRH12</i> , derived from a marsupial-specific retrotransposition event.											
	著者名 GA	Ono R. et.,al.	雑誌名 GC	DNA Research									
	ページ GF	211~219	発行年 GE	2	0	1	1	巻号 GD	18 (4)				
雑	論文標題GB												
誌	著者名 GA		雑誌名 GC										
	ページ GF	~	発行年 GE					巻号 GD					
図	著者名 HA												
書	書名 HC												
	出版者 нв		発行年 HD					総ページ HE					
図書	著者名 HA												
	書名 HC												
	出版者 нв		発行年 HD					総ページ HE					

欧文概要 EZ

We have previously reported that Sirh family genes, which are derived from retrotransposon, are highly conserved in placental mammals, but are missing in reptile, birds, and non-placental mammals. These facts suggest that Sirh family genes are highly conserved in placental mammals, because they acquired mammalian-specific essential functions during mammalian evolution. By analyzing Sirh family genes, we tried to reveal the mammalian-specific essential functions.

[The function of *Peg1* in placental formation] Because Peg10 KO mice have poorly developed placenta, it is obvious that Peg10 has essential functions in placental formation. To reveal the mechanism of Peg10, I made anti-Peg10 antiboody and carried out Immunoprecipitation by using anti-Peg10 antibody. As a result, I confirmed that Pbd1 (Peg10 BinDing 1) binds with Peg10. Now, by using Peg10 KO mice and Pbd1 KO mice, I am investigating how retrotransposon-derived Peg10 acquired the function by binding with Pbd1 during mammalian evolution.

[The function of Sirh family genes] We made Sirh7 KO mice, as a new member of Sirh family genes. Sirh7 is highly expressed in early placenta, however, its expression gradually came to be restricted to highly dividing cells and finally disappeared after the mid-stage of gestation. Because Sirh7 KO mice have reduced spongiotrophoblast cells in spongiotrophoblast, Sirh7 have an essential role in the differentiation of trophoblast cells. Therefore, Sirh7, including Sirh1/Peg10, Sirh2/Peg11 has essential functions in the placental formation, we could show the evidence that mammals acquired viviparous system by using mammalian-specific retrotransposon-derived Sirh family genes.